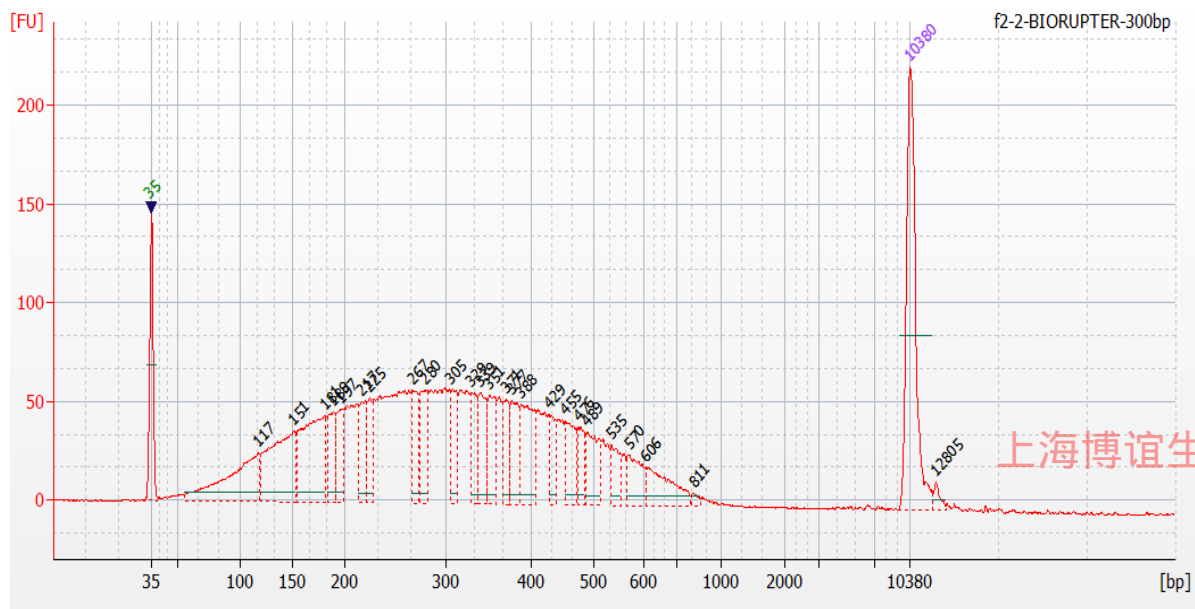


2017.5.17

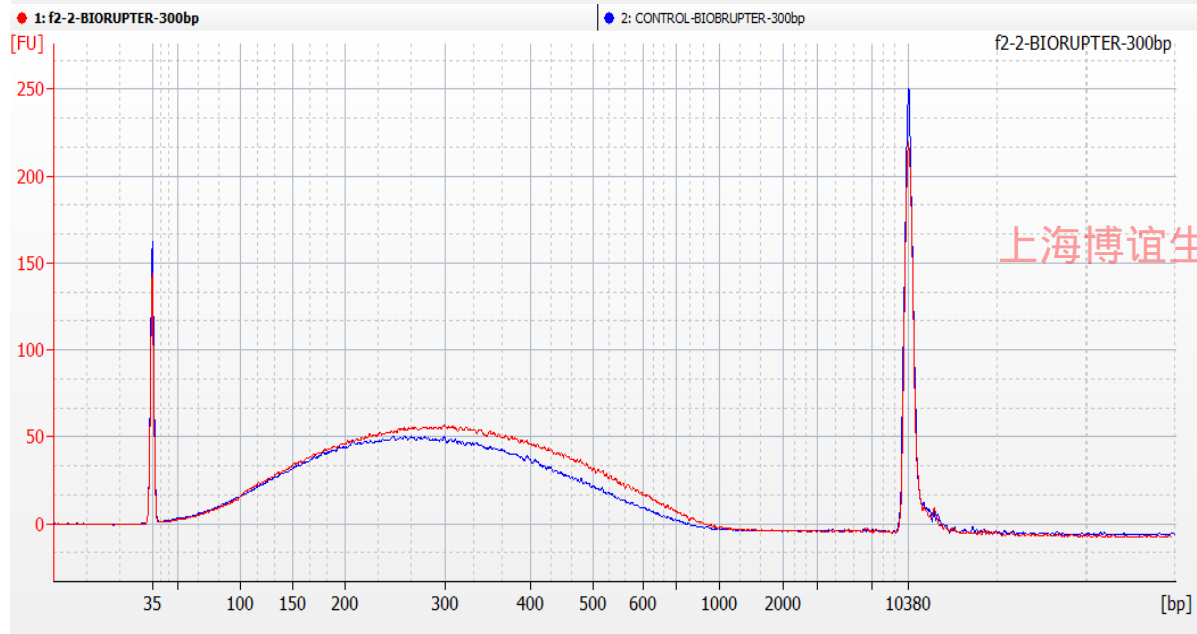
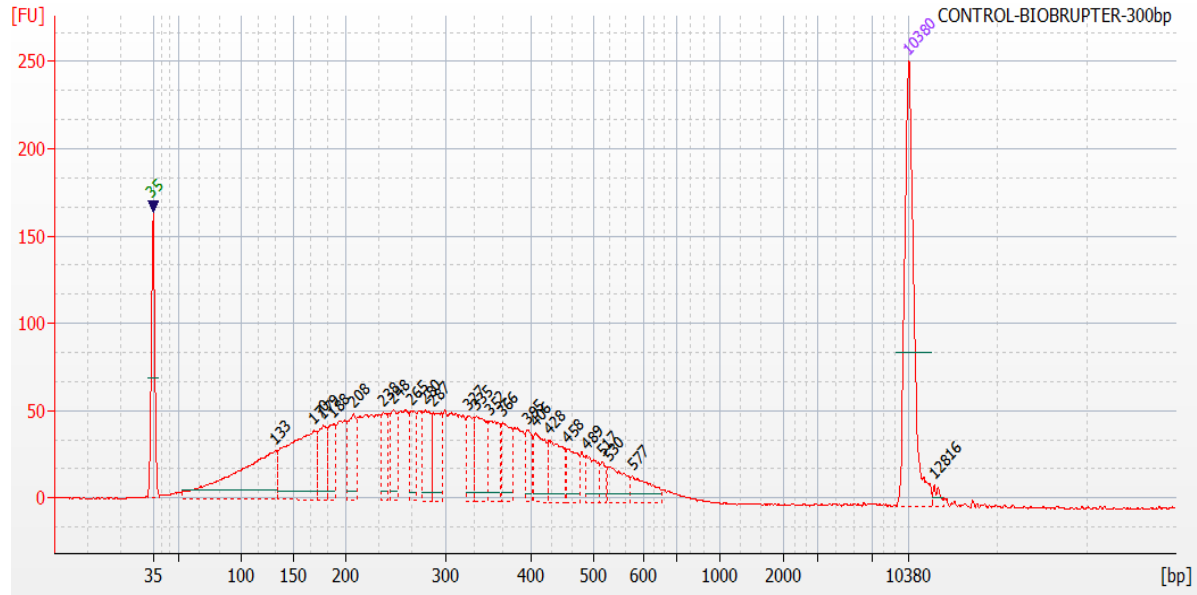
该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种		理论浓度 ng/ul	实际浓度 ng/ul	得率%
F2-2	60.6	200	300bp	30/30/6cycles	bio pico	菌	BC170247	2	1.42	71
Control	50	200	300bp	30/30/6cycles	bio pico	-		2	1.15	57.5

结论：条带主峰在300bp，不同物种的样本打断结果较均一，得率在50%以上



该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！



上海博谊生物科技有限公司

该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！

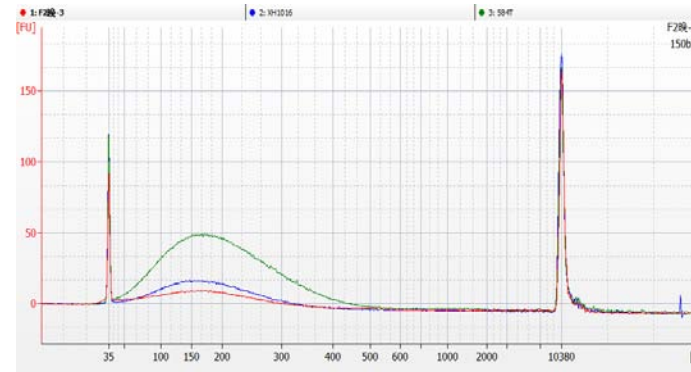
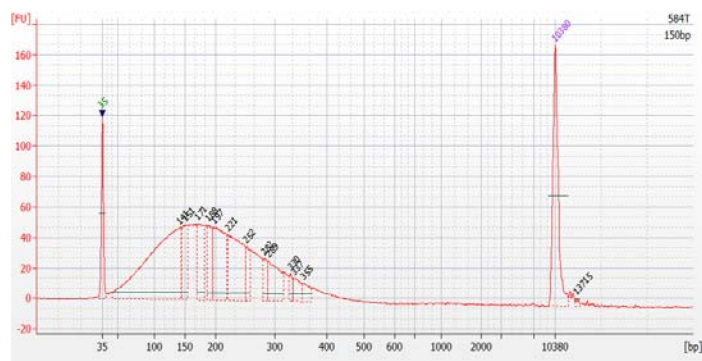
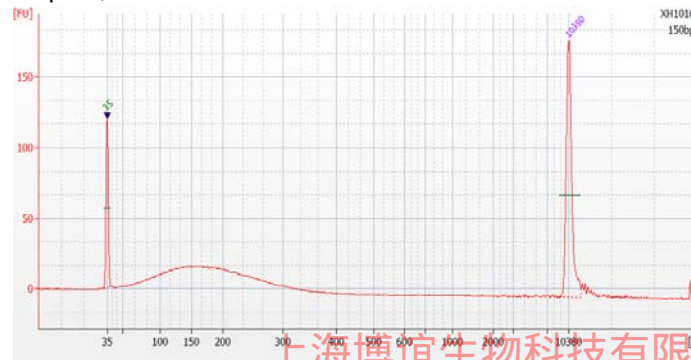
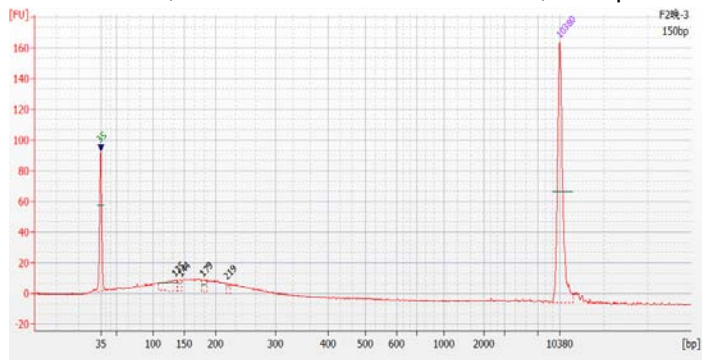
测试样本

No.	名称	物种	浓度ng/ul
1	F2晚-3	植物	44.2
2	XH1016	菌	40
3	584T	人组织	89.2

2017.5.18 不同物种同一个条件的比较

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种	体积ul	TE(100ul)	理论浓度ng/ul	实际浓度ng/ul	得率%
F2晚-3	44.2	100	150bp	30/30/30cycles	bio pico	植物	2.26	97.74	1	0.409	40.9
XH1016	40	100	150bp	30/30/30cycles	bio pico	菌	2.50	97.50	1	0.55	55
584T	89.2	100	150bp	30/30/30cycles	bio pico	人组织	1.12	98.88	1	0.68	68

结论：不同物种，相同总量的结果打断比较均一，150bp的片段主峰比较靠近150bp处，植物的得率最低！



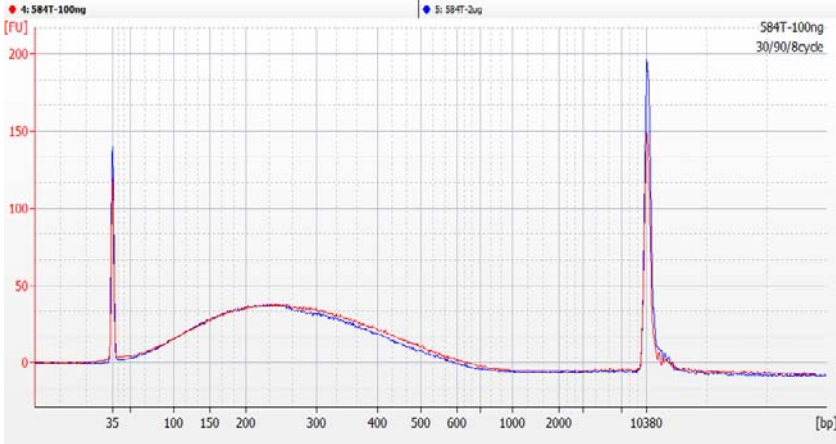
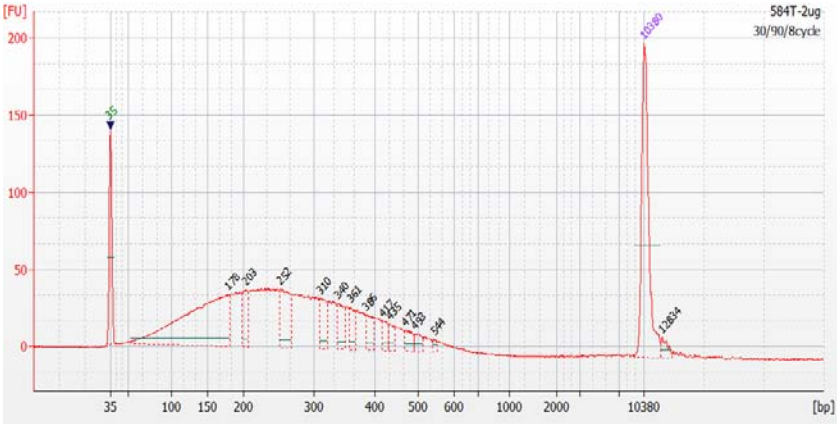
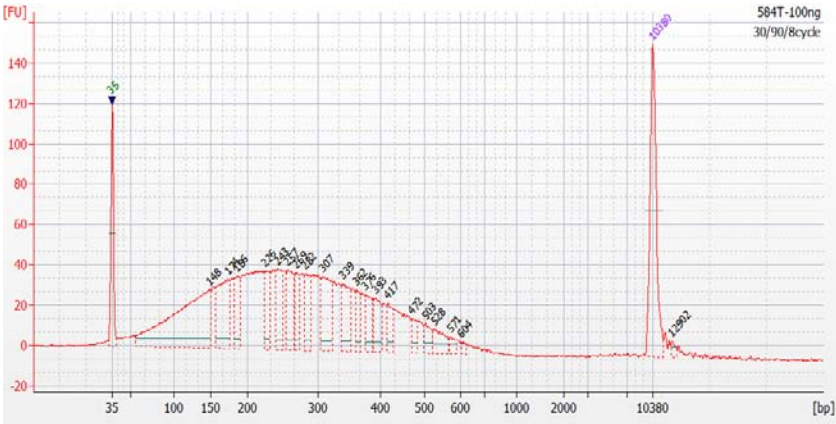
上海博蕴生物科技有限公司

该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！

2017.5.18 同意物种不同的起始量比较

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种	体积	TE(100ul)	理论浓度ng/ul	实际浓度ng/ul	得率%
584T	89.2	100 /		30/90/8cycle	bio pico	人组织	1.12	98.88	1	0.675	67.5
584T-2ug	89.2	2000 /		30/90/8cycle	bio pico	人组织	22.42	77.58	20	11.9	59.5

结论：调整了一个在200-300间的程序，结果主峰在250bp左右，不同浓度的同一个样本的结果比较均一，得率在50%以上



上海博谊生物科技有限公司

该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！

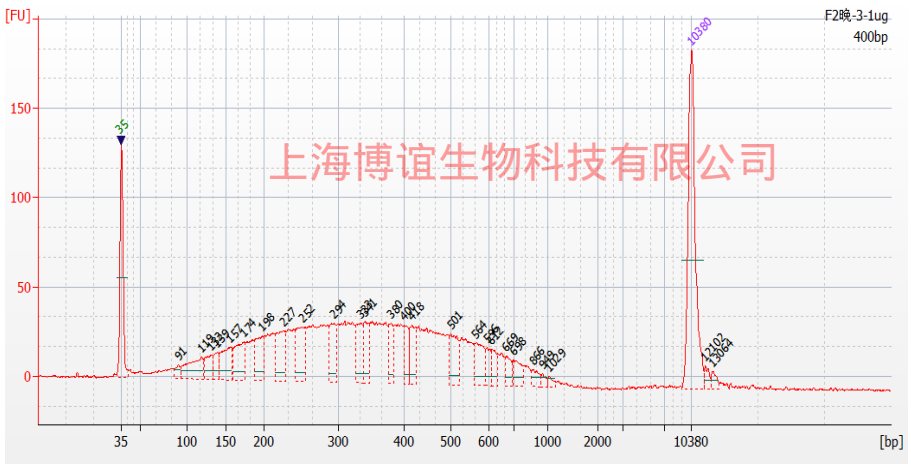
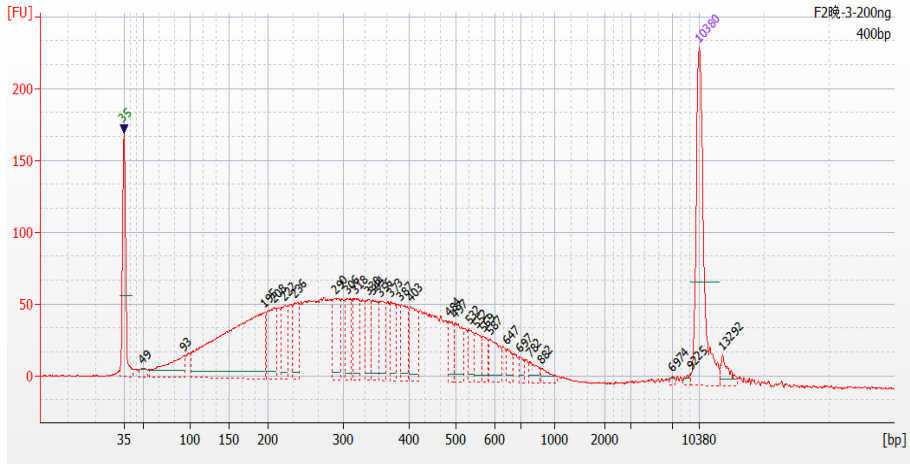
2017.5.18 同一个样本，不同的打断条件

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种	体积	TE(100ul)	理论浓度ng/ul	实际浓度ng/ul	得率%
F2晚-3	44.2	200	400bp	15/90/8cycle	bio pico	植物	4.52	95.48	2	1.51	75.5
F2晚-3	44.2	1000	400bp	15/90/8cycle	bio pico	植物	22.62	77.38	10	7.7	77

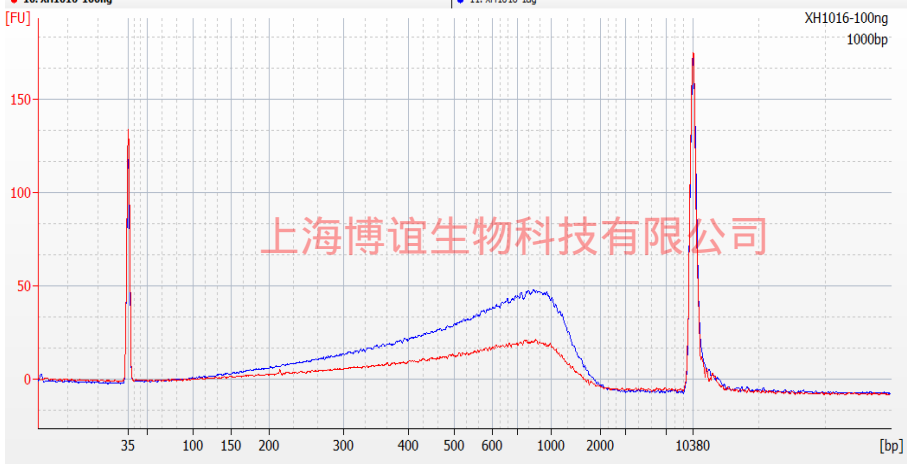
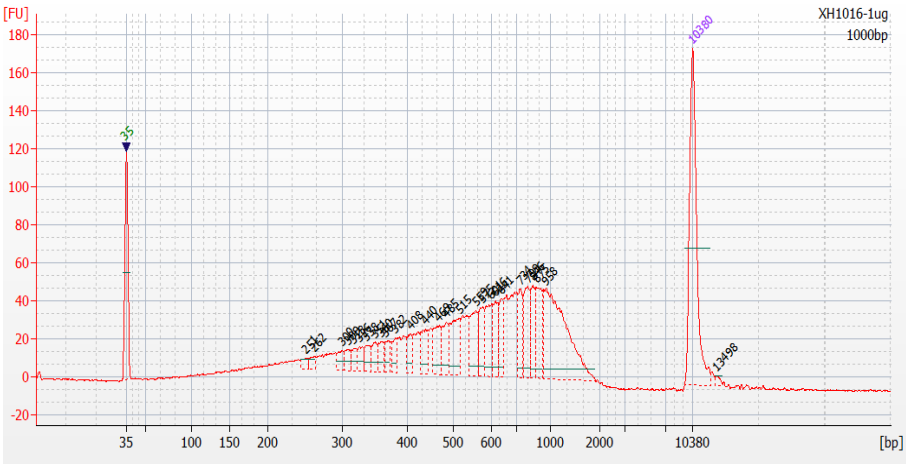
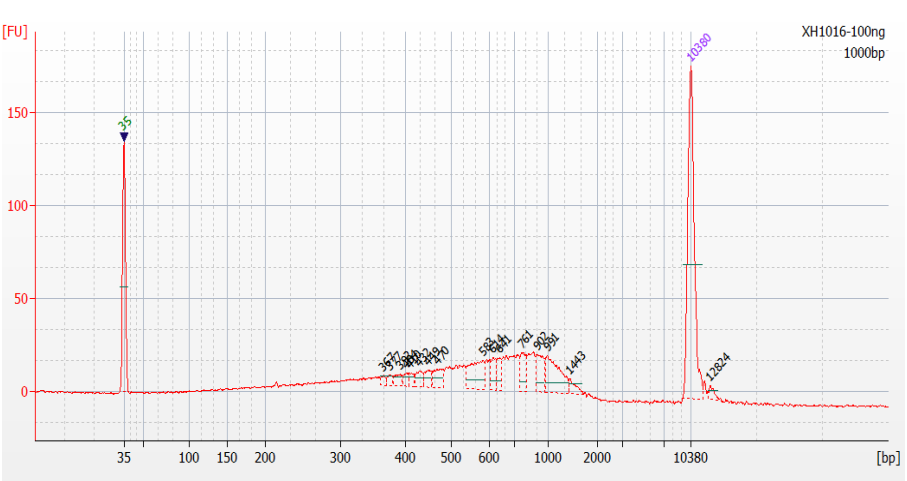
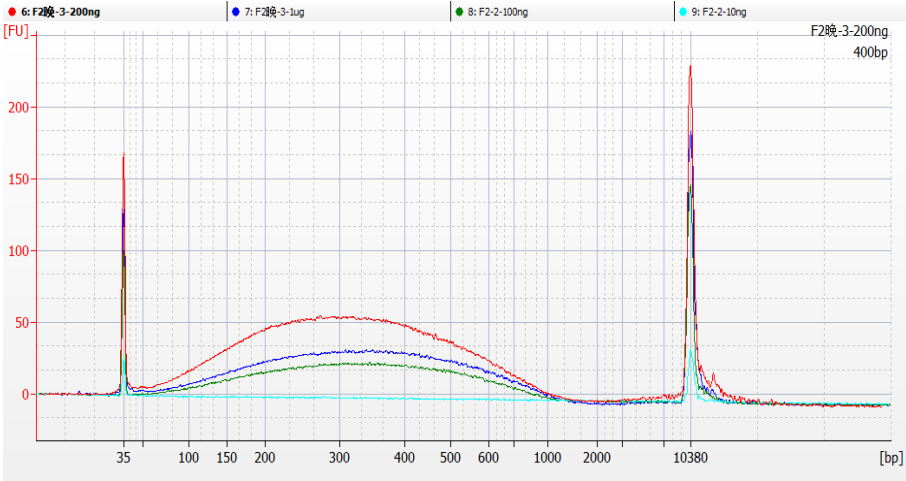
结论：400bp程序打断的主峰在300bp左右，需要进一步调整同一个样本的不同浓度的打断结果比较均一；得率在70%以上

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种	体积	TE(100ul)	理论浓度ng/ul	实际浓度ng/ul	得率%
XH1016-100ng	40	100	1000bp	5/90/8cycle	bio pico	植物	2.50	97.50	1	1.13	113
XH1016-1ug	40	908	1000bp	5/90/8cycle	bio pico	植物	22.70	77.30	9.08	6.68	73.57

结论：1000bp程序打断的主峰在700-800bp左右，需要进一步调整同一个样本的不同浓度的打断结果比较均一；得率在70%以上



该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！



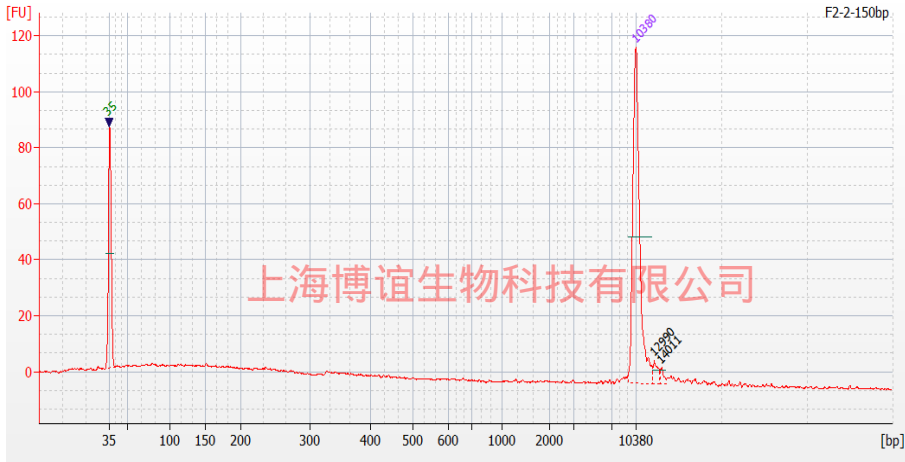
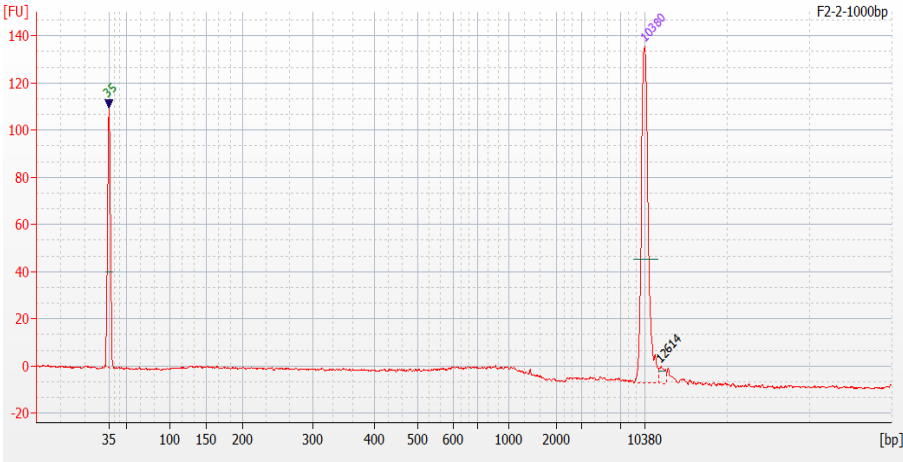
上海博谊生物科技有限公司

该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！

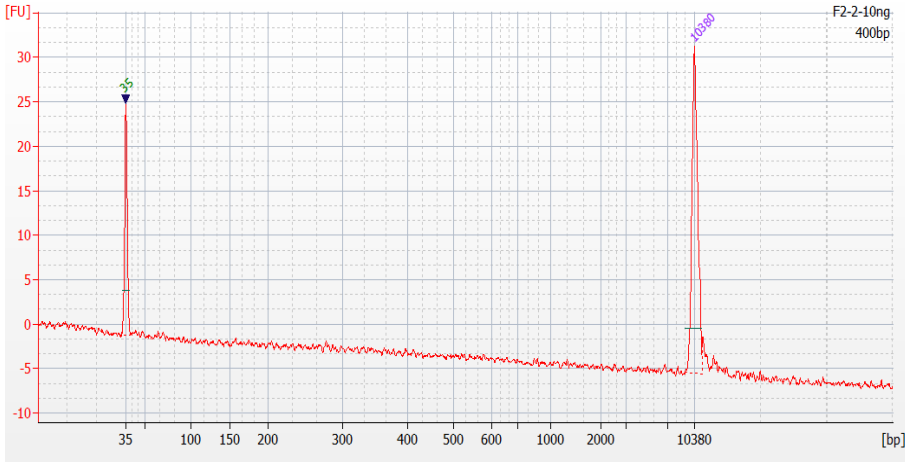
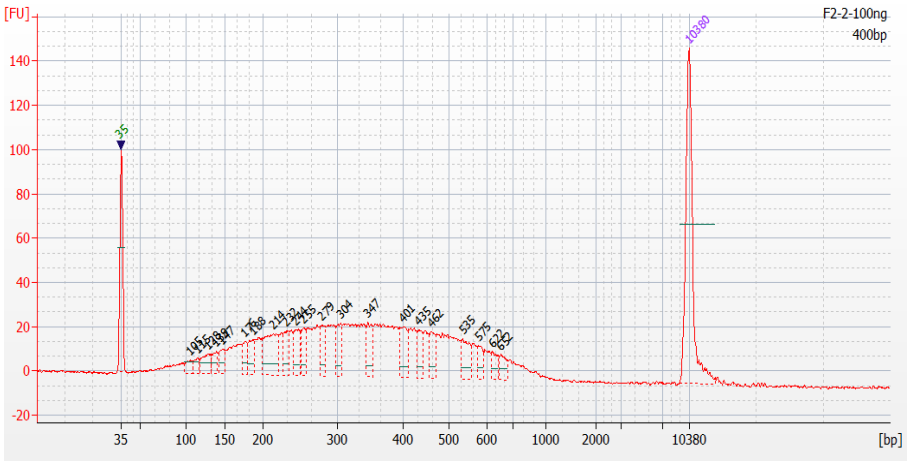
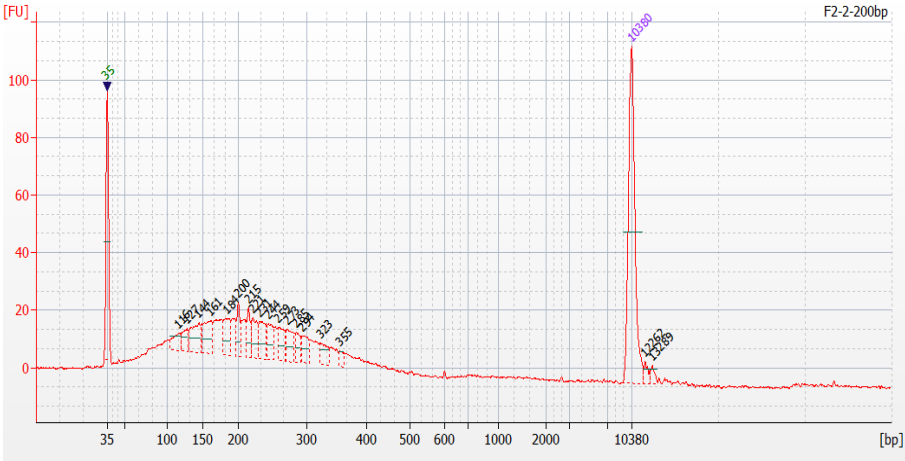
2017.5.18-将样本F2-2每种程序打断，并挑战最低量进行打断

名字	浓度ng/ul	总量ng	片段	程序	型号	物种	体积	TE(100ul)	理论浓度ng/ul	实际浓度ng/ul	得率%
F2-2-150bp	60.2	100	150bp	30/30/30cycles	bio pico	菌	1.66	98.34	1	0.674	67.4
F2-2-200bp	60.2	100	200bp	30/30/13cycles	bio pico	菌	1.66	98.34	1	0.595	59.5
F2-2-100ng	60.2	100	400bp	15/90/8cycle	bio pico	菌	1.66	98.34	1	0.735	73.5
F2-2-1000bp	60.2	100	1000bp	5/90/8cycle	bio pico	菌	1.66	98.34	1	1.05	105
F2-2-10ng	6.02	10	400bp	15/90/8cycle	bio pico	菌	1.66	98.34	0.1	0.172	172

实际2100结果未显示，所以定量不准



该数据来源于上海伯豪生物，未经仍和篡改！



上海博谊生物科技有限公司

总结论：
总体打断效果较好
对于低量的样本还有待继续测试（定量不准）
对于单个样本，少量样本的打断，时间较久，适用12个样本一起打断，才能充分利用时间！